

## 第 28 届国际微尺度生物分离分析大会 (MSB2012 Shanghai)

中国, 上海

### MSB in MSB

2012 年 10 月 21 日-24 日



MSB (MicroScale Bioseparations and analyses)系列会议作为目前国际上生物分离分析科学领域影响力最大的国际性学术会议之一, 为研究者们提供了一个开放的环境来讨论生物分子微尺度研究的理论和实践经验。

第 28 届国际微尺度生物分离分析大会 (MSB2012 Shanghai) 定于 2012 年 10 月 21 日-24 日在上海召开。

当今的生物分离分析不仅进入了微尺度时代, 同时也融入到各层次的“组学”研究中, 成为系统生物学的主要推动力之一。因此, MSB2012 Shanghai 会议主题设为“MSB in MSB” (MicroScale Bioseparations and analyses in Molecular Systems Biology), 涵盖两大模块: 微尺度分离分析的理论与方法/微尺度分离分析在系统生物学中的应用。本次会议不仅为生物技术创新者提供高水平的交流平台, 也为生物医学研究者展示新方法的应用潜力与解决方案。

MSB2012 Shanghai 将汇集一批在基因组、蛋白质组、代谢组、微流控芯片、色谱-质谱联用技术、组学数据整合等领域国际知名的科学家和研发专家, 届时将呈现当前国际上最前沿的面向系统生物学复杂系统的微尺度研究方法。多学科交叉不仅拓展了 MSB 论坛的主题, 也为我国各领域的研究工作者提供了一个近距离学习与交流平台。

MSB2012 Shanghai 由中国科学院上海生命科学研究院主办, 中国生物化学与分子生物学学会分子系统生物学专业委员会和中国色谱学会协办。我们热忱欢迎包括但不限于生命科学, 分析化学, 药物研究, 转化医学等各领域研究者的参与。大会网站敬请浏览<http://msb2012.csp.escience.cn>。您有任何问题或想了解更多信息, 请电话或邮件联系我们, 或者您也可以联系大会秘书处 (021-54920166, [msb2012@sibs.ac.cn](mailto:msb2012@sibs.ac.cn))。

大会口头报告摘要提交截止日期: 2012 年 9 月 10 日  
墙报摘要提交截止日期: 2012 年 9 月 30 日

## 论坛两大模块

### 微尺度分离分析的理论与方法

- \*微流控芯片新方法
- \*微尺度多维分离分析
- \*毛细管电泳/色谱-质谱联用新方法 & 仪器
- \*微/纳流液相及其联用技术
- \*微尺度样本制备方法
- \*毒理分析方法
- \*食品分析方法
- \*药物分析方法
- \*临床与分子诊断

### 微尺度分离分析在系统生物学中的应用

- \*蛋白质组研究: 定性 & 定量
- \*生物标记物发现
- \*代谢组研究
- \*糖组研究
- \*基因组/表观遗传分析
- \*蛋白质翻译后修饰与动态变化
- \*系统生物学中的数据分析 & 整合
- \*组学中的样本制备
- \*蛋白质相互作用和定位分析
- \*靶向蛋白质/多肽分析
- \*单细胞分析

## 第 28 届国际微尺度生物分离分析大会 (MSB2012 Shanghai)

中国, 上海

### MSB in MSB 邀请报告学者 (部分)

2012 年 10 月 21 日-24 日

姓名	单位	报告题目	
Norman Dovichi	University of Washington	Capillary zone electrophoresis for the analysis of a medium-size proteome	DNA 毛细管电泳测序的先驱之一
Frantisek Svec	Lawrence Berkeley National Laboratory	Progress in the Application of Monoliths for Bioseparations	整体柱开发和应用先驱之一
John Yates	The Scripps Research Institute	Large-Scale Biological Studies Using Multi-Dimensional Separations and Tandem Mass Spectrometry	蛋白质组学开创者之一
Peter Roepstorff	University of southern Denmark	Mass spectrometry based proteomics, background, status and future needs	生物质谱研究开创者之一
Yi-Jun Ruan	Genome Institute of Singapore	TBC	基因组研究专家
Liang Li	University of Alberta	Development of High Performance Isotope Labeling Liquid Chromatography Mass Spectrometry for Metabolomics	生物质谱分析专家
Zubarev, Roman	Karolinska Institute	Separation of polypeptides by isoelectric point focusing in electrospray-friendly solution using novel multiple-junction capillary fractionator	系统生物学专家
Daniel Figeys	University of Ottawa	The membrane proteome: An analytical challenge	蛋白质组学专家
Yoshinobu Baba	Nagoya University	Nanobiodevice based single biomolecule and single cell separation for cancer diagnosis and cancer therapy	纳米分离分析专家
David D.Y. Chen	University of British Columbia	A closer look at the pH gradient by capillary isoelectric focusing directly interfaced with mass spectrometry	毛细管电泳专家
Koji Otsuka	Kyoto University	Strategies for high-sensitive detection in microscale electrophoresis	电泳专家
Ziad El Rassi	Oklahoma State University	Liquid-Phase Separation Strategies for Capturing Sub-glycoproteomics and Facilitating Comparative Proteomics by LC-MS/MS	分析化学家, 电泳杂志主编
Karl-Siegfried Boos	Medical Center of the University of Munich	Fully automated LC-MS/MS analysis of small molecules in whole blood	代谢组学专家
Huang, Lan	University of California-Irvine	Defining In Vivo Interactomes of Protein Complexes by Chemical Cross-linking and Mass Spectrometry	蛋白质复合物研究专家
Fred Regnier	Purdue University	Immobilized Enzyme Reactor (IMER) Enhanced Proteomics.	资深分析化学家
Yasushi Ishihama	Kyoto University	Ultra high resolution chromatography to extend phosphoproteome world	定量蛋白质组学专家
Washburn, Michael	Stowers Institute for Medical Research	Assembling Protein Complex Architectures with Deletion Network Analyses	蛋白质网络研究专家
Sergey N. Krylov	York University	Direct Quantitative Analysis of Multiple miRNAs: from Proof-of-Principle to Practical Analyses of Clinical Samples	单细胞分离分析专家
Chunaram Choudhary	University of Copenhagen,	Proteome-wide analysis of lysine acetylation and ubiquitylation using quantitative mass spectrometry	蛋白质修饰分析专家
Heng Zhu	Johns Hopkins Medical Institute	A protein microarray approach to constructing networks and pathways	蛋白质芯片技术专家